

		1		21		1.40	411.50	
4AMJ	--MG [							]AELLSSQQWEAGMSLLMALVVLLIVAGNVLVIAAIGSTQR
β1AR	--MGDGLWLPDPCGPHNRSGGGGATAAPTGSRQVSAELLSSQQWEAGMSLLMALVVLLIVAGNVLVIAAIGRTQR							
hTAAR1	-----MMPFCHNIINISCVKNNWSNDVRASLYSLMVLIIILTTLVGNLIVIVSISHFKQ							
hTAAR2	MAVSSEQHLSHFRTQTKEKFNCEYGNRSCPENERSLGVRVAMYSFMAGSIFITIFGNLAMIISISYFKQ							
chTAAR6	-----MSSNSSLLVAVQLCYENVNGSCVETLYSPGSRVILYIVFGFAGVLAVFGNLLVMISILHFKQ							

	54	612.42		2.52	812.62		101	1213.50
4AMJ	LQT	LTNLFITSLACADLVVGLLVVPFGATLVVRGTWLVGSFLCE					WTSLDVLCVTASIE	TLCVIAIDRYLAIT
β1AR	LQT	LTNLFITSLACALVLMGLLVVPFGATLVVRGTWLVGSFLCE					WTSLDVLCVTASIE	TLCVIAIDRYLAIT
hTAAR1	LHT	PTNWLIIHSMATVDFLLGCLVMPYSMVSAEHCWYFGEVFC					HTSTDI	MLSSASIFHLSFISIDRYAVC
hTAAR2	LHT	PTNFLILSMAITDFLLGFTIMPYSMIRSVENCWYFGLTFCKI					YVSFDLMLSITSIFHLCSVAIDREFYAIC	
chTAAR6	LHS	PTNFLVASLACADFLVGVTVMPPFSMVRTVESWCWYFGRSF					VIFHTCCDVAFCYSSSLFCA	FISIDRYIAVT

	127		141		4.53		181	
4AMJ	SPFRYQSLMTRARAKVICTVWVAISALVSFLPIMH						HWWRDEDPQ-ALKCYQDPGC	CDFVTNRAVYASIIISF
β1AR	SPFRYQSLMTRARAKVICTVWVAISALVSFLPIMH						HWWRDEDPQ-ALKCYQDPGCCDFVTNRAVYASIIISF	
hTAAR1	DPLRYKAKMNLVICVMIFISWSVPAVAFGMLFLE						INFKGAEIYYKHVHCRGGCS	VFEISKISGVLFMTS
hTAAR2	YPLIYSTKITIPVIKRLLLCWSVPGAFAGVVFSEAYADGIEG						-YDILVACSSSCPVMFNKLWGTTLFMAGF	
chTAAR6	DPLVYPTKFTVSVSGICISVSWILPLMYS						GAVFTGYVDDGLEE-LSDALNCIGGCQT	VVNQNWVLIDGLS-F

	2005.48		221			241
4AMJ	YIPLLIMIFvalRVYREAKEQIRKID					-----RASKRKTSRVMIMREHKAL
β1AR	YIPLLIMIFVYLRVYREAKEQIRKIDRCEGRFYGSQEQQPPPLPQHQPILGNRASKRKT					SRVMAMREHKAL
hTAAR1	YIPGSIMLCVYYRIYLIAKEQARLISDANQKL					-----QIGLEMKNGISQSKERKAV
hTAAR2	FTPGSMMVGIIYKIFAVSRKHAHAINNLRENQ					-----NNQ-----VKKDKKAA
chTAAR6	FIPTFIMIILYGNIFLVARRQAKKIENTGSKT					-----ESSSESYKARVARREKAA

		6.35	2616.45		6.55	281		7.40	3017.50		321
4AMJ	KTLGIIMGVETLC		WLPFFLVNIVNVFN			RDLPD		WLFVafNW		LGYSANAMNPIIYCR-SPDFRKA	AFKRLLafPR
β1AR	KTLGIIMGVETLC		WLPFFLVNIVNVFN			RDLPD		WLFVFFNW		LGYSANAFNPIIYCR-SPDFRKA	AFKRLLCFPR
hTAAR1	KTLGIVMGVFLICWCPFFICTVMDPFLHYIIPPTLNDVLIWFGYLNSTFNPMVYAFFYPWFRKALKMMLFGKI										
hTAAR2	KTLGIVIGVFLLCWFPCFFITILLDPFLNFSTPVPVLFDAITWFGYFNSTCNPLIYGFFYPWFERRALKYILLGKI										
chTAAR6	KTLGVTTVVAFMISWLPYSIDSLIDAFMGFITPAYIYEICCWCA										YNSAMNPLIYALFYWPFRKA

	324	
4AMJ	KADRRLLhhhhhh [	
β1AR	KADRRLLHAGGQPAPLPGGFISTLGSPGHTWSDCNGGTRGGSESSLEERHSKTSRSES	KMERENILAT
hTAAR1	FQKDSSRCKLFLELSS	
hTAAR2	FSSCFHNTILCMQKESE	
chTAAR6	LKNSSATMNLFSEHI	

4AMJ		]
β1AR	TRFYCTFLGNGDKAVFCTVLRIVKLFEDATCTCPH	THKLKMKWRFKQHQ
hTAAR1	-----	
hTAAR2	-----	
chTAAR6	-----	